



UNIVERSITY OF HELSINKI

25.8.2020

### Haetaan (post-doc) tutkijaa bioinformatiikan alalta

Satu Mustjoen tutkimusryhmä ([www.helsinki.fi/hematology](http://www.helsinki.fi/hematology)) Helsingin Yliopiston lääketieteellisestä tiedekunnasta ja HUS Syöpäkeskuksesta hakee (post-doc) tutkijaa syöpä- ja autoimmunteettitaudeista kerättyjen laajojen WES, WGS, lncRNA-seq ja scRNA-seq menetelmillä tuotettujen tietoaaineistojen analysointiin ja mallintamiseen sekä yhdistämiseen klinisiin tietoihin. Ryhmän tulokset julkaistaan alan kärkilehdissä (ajantasainen lista artikkeleista nähtävissä <https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/?term=mustjoki&sort=date> ).

Toivomme hakijalta kykyä hallita Python, Perl tai R-ohjelmointikieltä, tuntemusta Linux ympäristöstä ja kiinnostusta biostatistiikkaa ja kone-oppimista kohtaan. Aiempi osaaminen sekvenssintiedon käsittelystä katsotaan hyödyksi. Hyvä julkaisuhistoria luetaan eduksi. Aloitus joustavasti mahdollisimman pian. Palkkaus HY ohjeistuksen mukaisesti.

Kiinnostuneita pyydetään lähettämään motivaatiokirje ja CV sähköpostitse otsikolla

genome\_bioinfo\_2020: [satu.mustjoki@helsinki.fi](mailto:satu.mustjoki@helsinki.fi) ja [matti.kankainen@helsinki.fi](mailto:matti.kankainen@helsinki.fi). Heiltä myös tarvittaessa lisätietoja.

### Call for (Post-doctoral) researcher in bioinformatics

Mustjoki lab ([www.helsinki.fi/hematology](http://www.helsinki.fi/hematology)) at the University of Helsinki and Helsinki University Comprehensive Cancer Center has an opening for a (postdoc) researcher in computational cancer and autoimmunity research. The new researcher will play a critical role in the computational analysis and statistical modelling of large-size WES, WGS, lncRNA-seq, and scRNA-seq datasets and integration of these data with clinical information. Research results of the group are mostly published in precious journals (please see the latest listing at <https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/?term=mustjoki&sort=date> ).

We require fluency with Python, Perl, R or equivalent in a UNIX environment. Experience in biostatistics and machine-learning as well as understanding on and/or demonstrated ability to process genomics data is desired. Strong publication record is an advantage. Applications for this position will be accepted until the position is filled. Salary will depend upon the applicant's level of skills, knowledge, and abilities and is based on university salary system. To apply, please send your application including resume and cover letter via email to [satu.mustjoki@helsinki.fi](mailto:satu.mustjoki@helsinki.fi) ja [matti.kankainen@helsinki.fi](mailto:matti.kankainen@helsinki.fi) with the title genome\_bionfo\_2020. We also welcome informal queries on the position.